

【小鼠大学问】小鼠基因编辑神器

小鼠基因组定点编辑技术包括ES细胞打靶技术、CRISPR/Cas9系统，本文介绍了他们的基本结构和作用原理机制、主要技术路线等。

小鼠基因组定点编辑技术

- ES细胞打靶技术
- CRISPR/Cas9技术

ES细胞打靶

在小鼠胚胎干细胞（ES 细胞）中进行 DNA 同源重组，将 ES 细胞重新注射到囊胚腔中，可以形成嵌合胚胎，并能在假孕小鼠体内发育，最终发育为嵌合体小鼠。这种嵌合小鼠的组织细胞（包括生殖细胞）可以分别来自囊胚的细胞和被注射的ES细胞。因此，通过嵌合小鼠和野生型小鼠的交配，ES 细胞中的遗传信息就能够传递到后代的小鼠个体中。

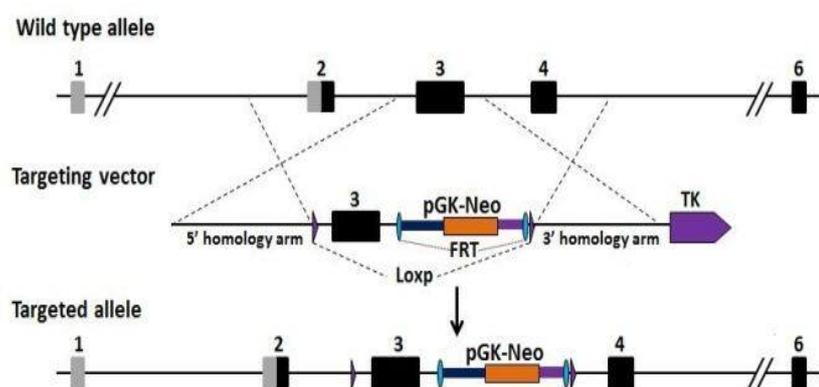


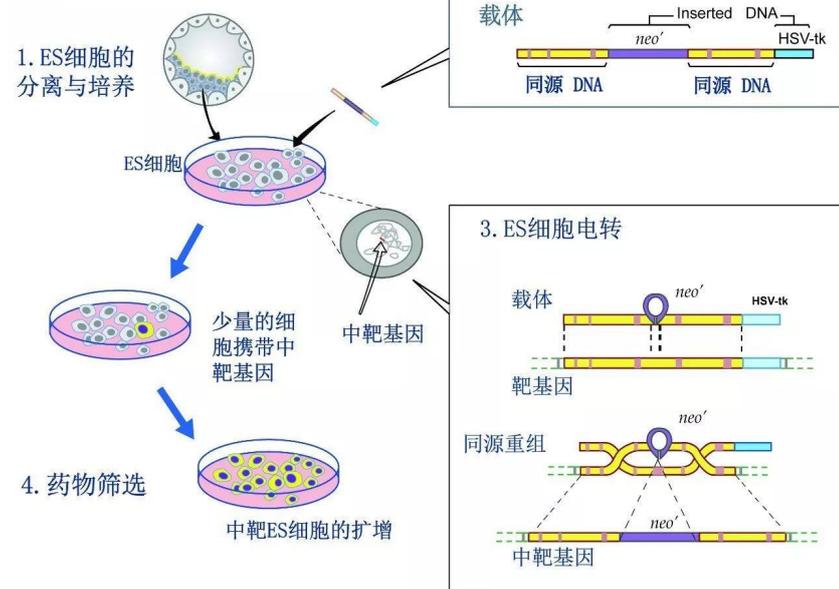
图1. ES细胞打靶载体基本结构及原理（图片来自内部资料）

利用ES细胞打靶技术建立基因修饰小鼠模型的主要技术路线：

- (1) 构建重组基因载体（正负双向选择系统）
- (2) 用电穿孔等方法把重组DNA转入受体ES细胞内
- (3) 用选择培养基筛选抗药ES细胞，并利用PCR或 Southern blot 等方法鉴定发生正确同源重组的ES细胞
- (4) 将中靶ES细胞注射到受体囊胚中，将注射后存活的胚胎移植到假孕小鼠子宫中，让其受孕，待小鼠出

生后，通过观察毛色的嵌合与否和嵌合程度判断是否获得嵌合体小鼠。

第一步：ES细胞的基因打靶



第二步：从基因敲除ES细胞到基因敲除小鼠

5. ES细胞囊胚腔注射



6. 嵌合小鼠的出生与繁育

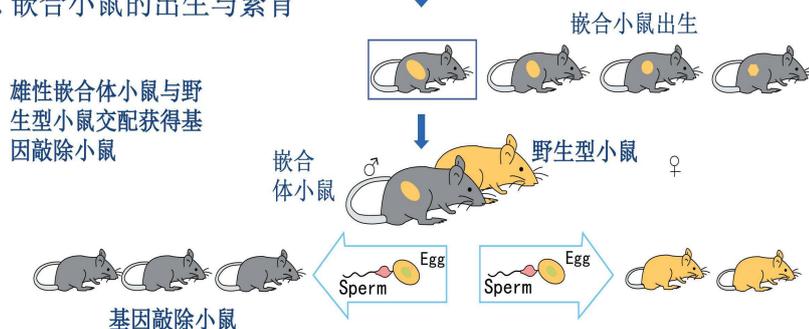


图2. ES细胞打靶技术路线（图片来自内部资料）

CRISPR/Cas9技术

CRISPR/Cas是细菌和古细菌在长期演化过程中形成的一种高度保守的适应性免疫防御系统，可用来对抗入侵的病毒及外源DNA。

CRISPR是Clustered regularly interspaced short palindromic repeats（规律成簇间隔短回文重复）的缩写。CRISPR簇是一个广泛存在于细菌和古生菌基因组中的特殊DNA重复序列家族，其序列由一个前导区(Leader)、多个短而高度保守的重复序列区(Repeat)和多个间隔区(Spacer)组成。

Cas则是在CRISPR附近的一个多态性家族基因，这个家族基因编码的蛋白均含有可与核酸发生作用的功能域，并且与CRISPR区域共同发挥作用，因此被命名为CRISPR关联基因(CRISPR associated)，缩写为Cas，包括Cas1 ~ Cas10等多种类型。

当细菌抵御噬菌体等外源DNA入侵时，在前导区的调控下，CRISPR被转录成pre-crRNA，然后被加工成一系列短的含有保守重复序列和间隔区的成熟crRNA，最终识别并结合到与其互补的外源DNA序列上发挥剪切作用。

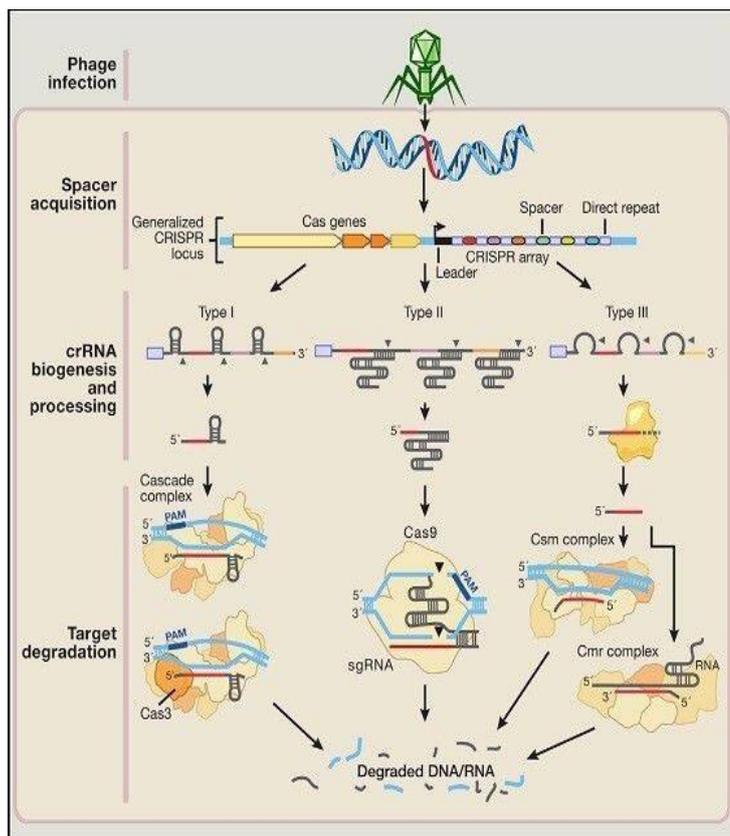


图3. 细菌CRISPR/Cas系统抵御外来入侵原理示意图（图片来自Cell. 2014 Jun 5;157(6):1262-78.）

目前在基因编辑应用最为广泛的CRISPR/Cas9系统是以Cas9蛋白以及向导RNA（gRNA）为核心组成。Cas9含有在氨基末端的RuvC和蛋白质中部的HNH两个活性位点，在crRNA成熟和双链DNA剪切中发挥作用，引起DNA双链断裂。CRISPR/Cas9的剪切位点位于crRNA互补序列下游邻近的PAM区（Protospacer Adjacent Motif）的NGG位点，这种特征的序列在每128bp的随机DNA序列中就重复出现一次。

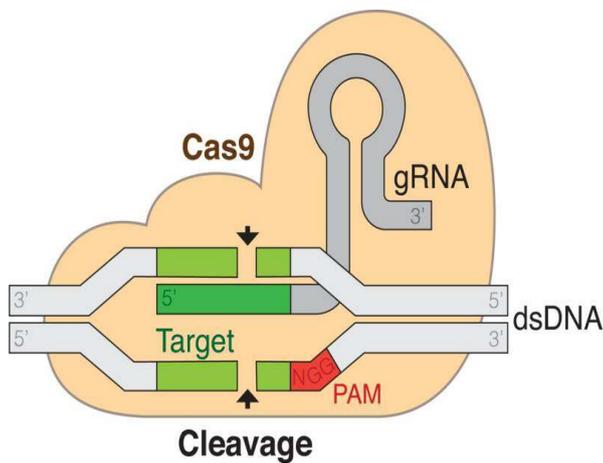


图4. CRISPR/Cas9基本结构原理示意图（图片By Mariuswalter - Own work, CC BY-SA 4.

DNA双链断裂后，在不存在同源模板的情况下发生非同源性末端接合（Non-homologous end joining, NHEJ）修复断裂DNA。通常在Cas9剪切位点附近造成小片段碱基的插入或缺失。如果随机修复发生在基因的编码外显子中，则往往会导致读码框发生移码突变，最终使靶基因无法正常转录翻译。当DNA断裂后，细胞核内同时存在与损伤DNA同源的DNA片段，那么则可通过同源介导的双链DNA修复（Homology directed repair, HDR）在目的位点引入外源DNA片段，从而达到片段敲入或编辑的效果。

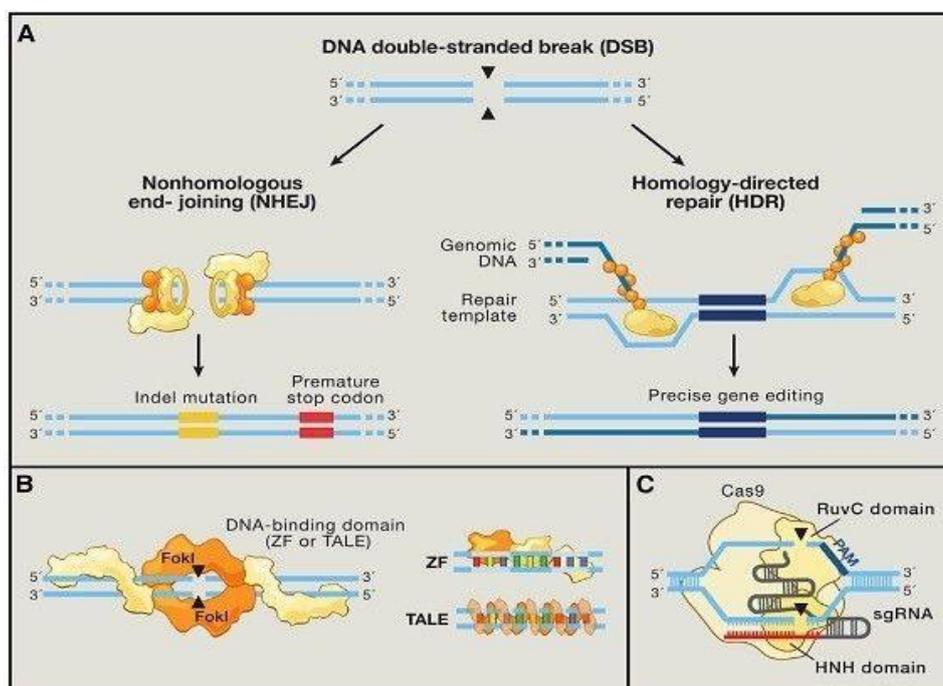


图5. 利用DNA双链断裂修复实现基因定点编辑原理示意图（图片来自Cell. 2014 Jun 5;157(6):1262-78.）

利用CRISPR/Cas9系统的这些特性，CRISPR/Cas9途径获得基因修饰小鼠模型的主要技术路线：

- (1) 我们可以针对基因组特定序列设计向导RNA（gRNA）
- (2) 体外转录gRNA以及编码Cas9蛋白的mRNA

(3) 将gRNA、Cas9 mRNA注射到小鼠受精卵中

(4) 注射后的受精卵移植到假孕母鼠输卵管中，受精卵发育成F0代小鼠。

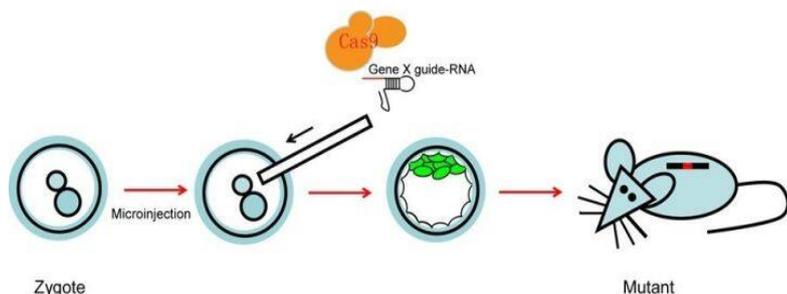


图6. CRISPR/Cas9途径获得基因修饰小鼠模型的技术路线（图片来自内部资料）

扩展阅读——正负双向选择系统 (positive-negative-selection, PNS)

由于高等真核细胞内外源DNA与靶细胞DNA序列自然发生同源重组的机率非常低，约为百万分之一，要把基因敲除成功的细胞筛选出来是一件非常困难的工作。因此，需要借助一些筛选标记来解决这一关键问题。

“+” 正筛选标记：通常是药物抗性基因，最常用的就是Neo（新霉素抗性基因）。通过构建打靶载体，将带有目的片段的外源DNA序列连同正筛选基因 neo 通过 DNA 序列间的同源重组替代基因组中需要敲除或修饰的片段，达到敲除或敲入特定基因的目的。正筛选基因 neo的表达赋予重组 ES 细胞具有抵抗细胞毒性药物 G418的特性，使细胞在药物筛选下存活并形成细胞克隆。

“-” 负筛选标记：为减少因随机插入产生的药物抗性克隆对筛选的干扰，可以在打靶载体同源重组区域的外侧加上负筛选基因，通常是细胞毒性相关基因。例如来自疱疹病毒的胸腺嘧啶激酶(TK)基因，该基因可以将对细胞无毒的核苷类似物 Ganc 进行磷酸化，从而产生对细胞有毒的核苷酸类似物。当打靶载体在细胞内进行同源重组时，TK 基因由于在同源重组区域的外侧，因此不会整合到细胞染色体上，随着细胞的生长和分裂 TK 基因发生自然降解和稀释，从细胞中消失。因此这类细胞不会因为 Ganc 的存在而死。但如果发生打靶载体随机插入整合到 ES 细胞染色体上的情况，那么TK 基因很可能也会同时整合上去，结果导致这类非正确同源重组的ES细胞在 Ganc 的存在下生成有毒的核苷酸类似物而致死。